

Compte rendu réunion du Groupe de Bioinformatique Santé Angevin (GBSA) du 07 septembre 2016

Présents

Vincent Procaccio, Dominique Bonneau, Pascal Reynier, David Goudenège, Virginie Hoffmann, Céliné Bris, Olivier Gueudelot, Jonathan Dauvé, Louise-Marie Chevalier, Gilles Hunault, Emmanuel Jaspard, Valérie Thépot-Seegers, Marine Tessarech, Claudine Landès, Julie Bourbeillon, Sylvain Gaillard, Jean-Pierre Renou

Objectifs de cette réunion

Extension du groupe GBSA à l'équipe de bioinformatique de l'Institut de Recherche en Horticulture et Semences (IRHS) dirigée par Jean-Pierre Renou.

Discussion autour des problématiques bioinformatiques et biostatistiques communes rencontrées par les différentes équipes représentées et du besoin d'augmenter notre visibilité.

Présentation de projets portés par des membres de GBSA.

Un tour de table est fait par les différents participants.

1) Discussion avec l'équipe IRHS :

Une discussion sur la demande exponentielle des besoins en bioinformatique sur le site angevin. La connexion avec BioGenouest et ses différentes plateformes de bioinfo est aussi discutée.

2) Présentation de l'équipe bioinformatique de l'IRHS (Claudine Landès)

L'équipe bioinformatique de l'IRHS constitue un acteur majeur de la bioinformatique sur Angers (>15 personnes). Une équipe de 10 permanents et 3 thésards. Leur activité peut se décomposer en 3 grands axes :

- La recherche : avec une expertise en annotation syntaxique (gènes) et fonctionnelle (fonction), en assemblage de génome, mais également en annotation relationnelle (réseaux, pathway).

Exemple de la labse de données génomique AnanDB

- Le service : en développant des bases de données et des outils *in silico*. Ils assurent également la mise à disposition et l'administration d'une instance Galaxy et d'un serveur de calcul.

- La formation : programmation, statistiques et plus généralement en analyse de données « omics ».

3) Présentation de l'outil eKLIPse permettant la recherche de délétions portée par l'ADN mitochondrial (Virginie Hoffmann)

eKLIPse est un outil bioinformatique permettant de prédire des délétions de l'ADN mitochondriale à partir de séquençage NGS. Il est basé sur le soft-clipping et permet de prédire des délétions simples (sporadiques) et/ou multiples même pour des taux d'hétéroplasmies très faibles. Ce projet est le sujet de stage de M2 de Virginie Hoffmann (Nantes), financé par le projet GRIOTE.

4) Présentation du projet GIRCI Grand-Ouest REGOVAR (Olivier Gueudelot)

Ce projet a pour objectif le développement d'un logiciel intégré dédié à l'analyse de données NGS pour les 6 CHUs du Grand-Ouest. Il doit permettre la création d'une interface graphique intuitive et ergonomique qui facilitera et standardisera les analyses NGS du Grand-Ouest. Cette interface reposera sur une base dédiée de données de variants.

5) Discussion sur la mise en place de séminaires GBSA

- trimestriel

- organisation sur une demi-journée

- Lieu Amphithéâtre ICO, CHU Angers

- mise en place du 1^{er} séminaire en décembre 2016 un doodle sera lancé.