

BIOINFORMATIQUE, Unité libre 2009
 Master TPV, Partie "Statistiques"
 (à rédiger sur une copie séparée)

Dans le cadre de l'études des protéines LEA, un de vos enseignants a imprimé le listing suivant

```

+++++
+
+ Variable      Nombre de protéines
+   gravityBACT    37
+   gravityVIRI   694
+
+ Shapiro-Wilk normality test data:  gravityBACT
+ W = 0.957, p-value = 0.1623
+
+ Shapiro-Wilk normality test data:  gravityVIRI
+ W = 0.9413, p-value = 6.328e-16
+
+ F test to compare two variances
+ data:  gravityBACT and gravityVIRI
+ F = 1.0682, num df = 36, denom df = 693, p-value = 0.728
+ alt. hypoth.: true ratio of variances is not equal to 1
+ 95 percent confidence interval:  0.696156 1.818654
+ sample estimates: ratio of variances 1.068189
+
+ Wilcoxon rank sum test with continuity correction
+ data:  gravityBACT and gravityVIRI
+ W = 22663, p-value = 4.219e-15
+ alt. hypoth.: true location shift is not equal to 0
+
+
+++++
  
```

De quelles parties de la LEAPDB s'agit-il ? Que peut-on en conclure ? Vous indiquerez au passage quels *tests statistiques* sont mis en en oeuvre et ce qu'ils comparent.